



CENTRALE
CANINE

Identification A.D.N.
Empreinte enregistrée à la S.C.C.



NUEZ JUSTINE
88 IMPASSE DU MOLE
74130 CONTAMINE SUR ARVE

WONDER OF ART TWIN

Race : CHIEN LOUP TCHECOSLOVAQUE
N° Identification : 250269610122836
Sexe : F
Date de naissance : 09/01/2022
RUE : SCC2504466

Date de prélèvement : 21/08/2025
Type de prélèvement : CELLULES BUCCALES
Vétérinaire : FOURNEL PERRINE(24957)
Laboratoire : WISDOM PANEL
Date de résultat : 08/10/2025

Compatibilité de Filiation

Etalon : NEW JERSEY DE LA LOUVE BLANCHE - 250269811356827
Lice : LIKASITE DU DOMAINE DU VIEUX MANOIR - 250269802631118

Résultat (Norme ISAG 2020)

IDENTIFICATION GÉNÉTIQUE RÉALISÉE

Le présent certificat procède de la transmission informatique (valant signature) d'une analyse effectuée par un laboratoire titulaire d'un certificat ISAG 2006 de rang 1 (2022-2023), sélectionné lors d'une consultation libre publiée au JOUE / S151 sous le n°263076-2013-FR. Les communications avec ce laboratoire ont été effectuées sous anonymat préalablement mis en œuvre par les équipes de la SCC afin de garantir la confidentialité des échanges et la traçabilité des échantillons. En cas de prélèvement, la SCC s'assure qu'il soit réalisé par un vétérinaire inscrit auprès de l'Ordre des Vétérinaires.

POUR L'AMÉLIORATION DES RACES DE CHIENS EN FRANCE
Association loi 1901 - N° Siret : 314 775 495 000 26 - TVA intracommunautaire FR69314775495
155, avenue Jean Jaurès - 93535 AUBERVILLIERS Cedex - FRANCE
Tél. ADN : +33 (0)1 49 37 55 54 - adn.contact@centrale-canine.fr
www.centrale-canine.fr



WONDER OF ART TWIN

Race : CHIEN LOUP TCHECOSLOVAQUE
N° Identification : 250269610122836
Sexe : F
Date de naissance : 09/01/2022
RUE : SCC2504466

Date de prélèvement : 21/08/2025
Type de prélèvement : CELLULES BUCCALES
Vétérinaire : FOURNEL PERRINE(24957)
Laboratoire : WISDOM PANEL
Date de résultat : 08/10/2025

Certificat d'Identification Génétique (Norme ISAG2020)

Panel 1

Cfam_1:3962719 G/G	Cfam_1:20842130 A/A	Cfam_1:70238933 G/G	Cfam_1:80971770 A/A	Cfam_1:106430955 A/G	Cfam_1:119414584 G/G	Cfam_2:2610859 A/A
Cfam_2:38293797 G/G	Cfam_2:77806065 G/G	Cfam_3:1252765 A/A	Cfam_3:24757939 G/G	Cfam_3:73570828 G/G	Cfam_4:31301072 A/A	Cfam_4:64121754 G/G
Cfam_4:75910211 A/G	Cfam_4:86049027 A/A	Cfam_5:5410890 G/G	Cfam_5:26320165 A/A	Cfam_5:85451804 A/A	Cfam_6:11553458 G/G	Cfam_6:33976751 A/G
Cfam_6:64006720 G/G	Cfam_7:76294 G/G	Cfam_7:15011628 G/G	Cfam_7:36555518 A/G	Cfam_8:5291824 G/G	Cfam_8:18121580 A/A	Cfam_8:45852939 A/A
Cfam_8:63196958 A/A	Cfam_9:22610227 A/G	Cfam_9:40096141 A/G	Cfam_9:52710991 A/G	Cfam_9:60437147 A/A	Cfam_10:10652659 A/G	Cfam_10:22409408 G/G
Cfam_10:30034450 A/G	Cfam_10:66922269 A/G	Cfam_11:5318488 G/G	Cfam_11:23907101 C/C	Cfam_11:65603333 A/A	Cfam_12:5579055 A/G	Cfam_12:35306641 G/G
Cfam_12:55201839 G/G	Cfam_12:68125319 A/A	Cfam_13:8704192 A/A	Cfam_13:59896033 C/C	Cfam_14:50063321 A/G	Cfam_14:58465266 A/G	Cfam_15:19299365 A/A
Cfam_15:22834903 C/C	Cfam_16:29634940 A/G	Cfam_16:46884446 C/C	Cfam_16:57958947 G/G	Cfam_17:10649078 A/G	Cfam_17:34462308 A/A	Cfam_17:39124697 A/A
Cfam_18:6745949 G/G	Cfam_18:54361347 A/G	Cfam_19:841347 A/A	Cfam_19:15926130 A/A	Cfam_19:27288167 C/C	Cfam_19:47470564 A/C	Cfam_20:13740894 A/A
Cfam_20:49900586 A/A	Cfam_20:57167714 G/G	Cfam_21:15558670 A/A	Cfam_21:25537675 A/A	Cfam_21:35719434 A/G	Cfam_22:641125 A/G	Cfam_22:26694580 A/G
Cfam_22:55308193 C/C	Cfam_23:42886681 A/C	Cfam_23:50772488 G/G	Cfam_24:23393510 C/C	Cfam_24:29909901 A/A	Cfam_24:47381908 A/G	Cfam_25:2073511 C/C
Cfam_25:33986348 A/G	Cfam_25:47708600 G/G	Cfam_26:20004896 A/G	Cfam_26:35071515 A/G	Cfam_27:2619058 A/A	Cfam_27:22599860 A/A	Cfam_27:41049333 A/A
Cfam_28:9877730 G/G	Cfam_28:18509221 A/G	Cfam_28:38885325 A/A	Cfam_29:251970 G/G	Cfam_29:9625359 A/A	Cfam_29:17561258 G/G	Cfam_29:36319325 A/C
Cfam_30:3896482 G/G	Cfam_30:15542105 A/A	Cfam_30:32852404 A/A	Cfam_31:21068798 G/G	Cfam_31:39391935 G/G	Cfam_32:679380 A/G	Cfam_32:17792284 G/G
Cfam_32:32382778 A/A	Cfam_33:15018500 A/G	Cfam_33:23742061 G/G	Cfam_34:195313 A/C	Cfam_34:24396298 G/G	Cfam_35:15345329 C/C	Cfam_36:3565500 A/A
Cfam_36:12714421 G/G	Cfam_36:23459390 A/A	Cfam_37:9398945 A/G	Cfam_37:15436615 A/A	Cfam_37:27667297 A/G	Cfam_38:9224942 A/C	Cfam_38:17657161 G/G
Cfam_38:20441216 A/G	Cfam_X:7828353 X/X					

Panel 2

Cfam_1:72613047 G/G	Cfam_1:74450772 A/A	Cfam_1:119306331 G/G	Cfam_3:10255068 A/G	Cfam_3:37849557 G/G	Cfam_3:43055696 A/A	Cfam_3:43063677 A/A
Cfam_3:64084413 G/G	Cfam_3:90291255 A/G	Cfam_3:91626907 A/A	Cfam_4:42104780 A/G	Cfam_4:67040898 G/G	Cfam_4:70217695 A/A	Cfam_5:13080303 A/G
Cfam_5:36642434 G/G	Cfam_5:44650576 A/A	Cfam_5:55349573 G/G	Cfam_5:64611038 G/G	Cfam_7:3318809 A/G	Cfam_7:6423299 G/G	Cfam_7:15017979 G/G
Cfam_7:76487265 A/A	Cfam_8:6188937 A/G	Cfam_8:19076567 A/G	Cfam_8:24614720 G/G	Cfam_8:52381322 A/G	Cfam_8:67183794 G/G	Cfam_9:20867959 G/G
Cfam_9:32506288 A/G	Cfam_9:50114927 G/G	Cfam_9:56021221 A/A	Cfam_10:8085469 A/A	Cfam_10:14685262 A/G	Cfam_10:39548483 A/G	Cfam_10:47923623 A/G
Cfam_10:57954366 A/A	Cfam_11:1161870 A/A	Cfam_11:62157625 A/A	Cfam_11:70698603 A/C	Cfam_12:6337286 A/G	Cfam_12:8532712 A/G	Cfam_12:23059939 G/G
Cfam_12:40681020 A/G	Cfam_12:70657733 A/A	Cfam_13:40616856 A/G	Cfam_14:55735620 G/G	Cfam_16:29675662 C/C	Cfam_16:58093031 A/C	Cfam_17:9407683 G/G
Cfam_17:12787849 A/C	Cfam_17:57371669 A/A	Cfam_18:10189759 A/G	Cfam_18:16385020 G/G	Cfam_18:16388978 C/C	Cfam_18:31579269 A/G	Cfam_18:47325586 G/G
Cfam_19:30246414 A/G	Cfam_19:40189405 A/A	Cfam_19:42756283 A/A	Cfam_20:6046176 A/G	Cfam_20:45777531 A/A	Cfam_20:48602465 A/G	Cfam_21:22581321 A/A
Cfam_21:29796784 A/G	Cfam_21:31751817 A/A	Cfam_22:20498421 A/G	Cfam_22:33934047 A/G	Cfam_22:37522364 A/G	Cfam_22:39647748 A/G	Cfam_22:61153661 A/G
Cfam_23:44497217 A/G	Cfam_23:48055836 A/C	Cfam_24:18599997 A/A	Cfam_24:27925354 A/A	Cfam_24:30954773 G/G	Cfam_24:43589304 G/G	Cfam_24:45191477 A/G
Cfam_25:4614777 A/A	Cfam_27:20948372 A/A	Cfam_27:34444177 G/G	Cfam_27:42526114 G/G	Cfam_28:9703418 G/G	Cfam_28:12804225 A/G	Cfam_28:34478533 A/G
Cfam_28:35104850 G/G	Cfam_29:4020192 A/G	Cfam_29:4022252 G/G	Cfam_29:19681270 A/A	Cfam_29:22992304 A/A	Cfam_30:10012939 A/G	Cfam_30:11735245 A/G
Cfam_30:27619023 A/G	Cfam_31:20912553 A/A	Cfam_32:13183511 A/G	Cfam_33:15233992 A/A	Cfam_33:22070526 -/-	Cfam_33:22472901 A/A	Cfam_33:22648231 A/A
Cfam_34:24351570 A/G	Cfam_34:34993916 A/G	Cfam_34:37323213 G/G	Cfam_34:41703614 G/G	Cfam_35:15283717 A/A	Cfam_36:288045 G/G	Cfam_36:9241262 G/G
Cfam_36:10084888 A/A	Cfam_36:12723744 A/A	Cfam_36:18627936 G/G	Cfam_37:18338930 C/C	Cfam_37:26611359 G/G	Cfam_37:28611801 A/G	Cfam_37:30110473 A/G
Cfam_37:30902202 A/G	Cfam_38:13098194 A/C	Cfam_38:15271384 G/G	Cfam_38:19172567 C/C	Cfam_38:20930997 A/A	Cfam_X:7828353 X/X	

Le présent certificat procède de la transmission informatique (valant signature) d'une analyse effectuée par un laboratoire sélectionné lors d'une consultation libre publiée au JOUE / S151 sous le n°263076-2013-FR. Les communications avec ce laboratoire ont été effectuées sous anonymat préalablement mis en œuvre par les équipes de la SCC afin de garantir la confidentialité des échanges et la traçabilité des échantillons. En cas de prélèvement, la SCC s'assure qu'il soit réalisé par un vétérinaire inscrit auprès de l'Ordre des Vétérinaires.

NUEZ JUSTINE
88 IMPASSE DU MOLE
74130 CONTAMINE SUR ARVE

WONDER OF ART TWIN

Race : CHIEN LOUP TCHECOSLOVAQUE
N° Identification : 250269610122836
Sexe : F
Date de naissance : 09/01/2022
RUE : SCC2504466

Date de prélèvement : 21/08/2025
Type de prélèvement : CELLULES BUCCALES
Vétérinaire : FOURNEL PERRINE(24957)
Laboratoire : WISDOM PANEL
Date de résultat : 08/10/2025

Maladies suivies par le club de race

B83 - Myélopathie dégénérative type A

Résultat : DM1A-1.1

Interprétation : Homozygote non muté pour le gène SOD1. Le chien est indemne de la Myélopathie Dégénérative déterminée par la mutation c.118G>A de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

Autres résultats génétiques (traits morphologiques)

A63 - Locus A Fauve Charbonne

Résultat : LocA-aw/aw

Interprétation : Homozygote agouti sauvage - le chien est fauve/sable avec des poils foncés (robe agouti ancestrale de type loup). L'animal transmet systématiquement ce caractère (allèle aw) à sa descendance. Remarque : ce gène ne s'exprime pas si le chien est par ailleurs porteur du caractère dominant noir (Kb/-) ou s'il exprime le caractère extension muté (e/e).

A61 - Longueur de Poil

Résultat : PL-L/l

Interprétation : Hétérozygote pour le gène FGF5. Le chien présente vraisemblablement un poil court mais est porteur de l'allèle "poil long" qu'il peut transmettre à environ la moitié de ses descendants. Selon les races, il peut exister plusieurs variants responsables du caractère "poil long".

Le présent certificat procède de la transmission informatique (valant signature) d'une analyse effectuée par un laboratoire sélectionné lors d'une consultation libre publiée au JOUE / S151 sous le n°263076-2013-FR. Les communications avec ce laboratoire ont été effectuées sous anonymat préalablement mis en œuvre par les équipes de la SCC afin de garantir la confidentialité des échanges et la traçabilité des échantillons. En cas de prélèvement, la SCC s'assure qu'il soit réalisé par un vétérinaire inscrit auprès de l'Ordre des Vétérinaires.



WONDER OF ART TWIN

Race : CHIEN LOUP TCHECOSLOVAQUE
N° Identification : 250269610122836
Sexe : F
Date de naissance : 09/01/2022
RUE : SCC2504466

Date de prélèvement : 21/08/2025
Type de prélèvement : CELLULES BUCCALES
Vétérinaire : FOURNEL PERRINE(24957)
Laboratoire : WISDOM PANEL
Date de résultat : 08/10/2025

Autres résultats génétiques (traits morphologiques)

A69 - Locus S Panachure de blanc

Résultat : LocS-S/sp

Interprétation : Chien possédant un allèle de panachure responsable de la panachure moyenne. L'animal est porteur du caractère « panachure moyenne » et peut le transmettre à sa descendance.

G87 - Longueur De Poil - Variant 1

Résultat : PL-1-l/n

Interprétation : Hétérozygote pour la mutation c.284G>T du gène FGF5. Le chien peut présenter un poil court, mais le phénotype "longueur du poil" dépend également du génotype du chien pour les autres variants du gène FGF5 en fonction de sa race. Le variant 1 (mutation c.284G>T) est le variant le plus répandu et concerne la plupart des races.

G59 - Locus E Extension

Résultat : LocE-E/E

Interprétation : Homozygote pour le caractère extension - chien produisant des pigments foncés (eumélanines). L'animal transmet systématiquement ce caractère (allèle E) à sa descendance.

Le présent certificat procède de la transmission informatique (valant signature) d'une analyse effectuée par un laboratoire sélectionné lors d'une consultation libre publiée au JOUE / S151 sous le n°263076-2013-FR. Les communications avec ce laboratoire ont été effectuées sous anonymat préalablement mis en œuvre par les équipes de la SCC afin de garantir la confidentialité des échanges et la traçabilité des échantillons. En cas de prélèvement, la SCC s'assure qu'il soit réalisé par un vétérinaire inscrit auprès de l'Ordre des Vétérinaires.

